

بررسی خاصیت آنتی اکسیدانی و محتوای فنولی و رنگدانه‌ای گیاهان
تراژن *rolC* و *tolC*

Evaluation of antioxidant activity, phenolic contents and
pigment level of *rolC* and *tolC* transgenic tobacco plants

گیتا امینی، هانیه محجل شجا*، روح اله متفکر آزاد، الهام محجل کاظمی

Gita Amini, Hanieh Mohajjel Shoja*, Rohollah Motafakkerazad,
Elham Mohajjel Kazemi

گروه علوم گیاهی، دانشکده علوم طبیعی، دانشگاه تبریز

Department of Plant Biology, Faculty of Natural Science, University of Tabriz, IRAN

* نویسنده مسئول مکاتبات، پست الکترونیکی: mohajelh@yahoo.com

(تاریخ دریافت: ۹۸/۶/۲۵ - تاریخ پذیرش: ۹۸/۹/۱۵)

چکیده

واژه‌های کلیدی

ژن *rol*

توتون،

محتوای فنولی،

فعالیت آنتی اکسیدانی

آگروباکتریوم از جنس‌های گرم منفی باکتری‌های خاکری است که سبب ایجاد بیماری‌های مختلف در گیاهان خصوصاً دولبه‌ای‌ها به واسطه انتقال افقی ژنها می‌باشد. ژنهای *rolA*، *rolB* و *rolC* آگروباکتریوم ریزوژنز عامل ایجاد سندروم ریشه‌های موین در گیاهان آلوده بوده و نیز در افزایش تولید متابولیت‌های ثانویه گیاهی نقش مهمی ایفا می‌کنند. همولوگ گیاهی ژن‌های *rol* باکتریایی در تعدادی از گیاهان خصوصاً جنس *نیکوتیانا* و در *Linaria vulgaris* یافت شده‌اند. هدف این پژوهش بررسی تأثیر ژن باکتریایی *rolC* و همولوگ گیاهی آن، *tolC*، از نظر محتوای متابولیت‌های ثانویه، رنگدانه‌های فتوسنتزی و خاصیت آنتی اکسیدانی در عصاره گیاهچه‌های چهار هفته‌ای بود. به این منظور گیاهان توتون (*Nicotiana tabacum* L.) تراژن *rolC* و *tolC* که ژن‌ها تحت کنترل پروموتور القایی با گلوکوکورتیکوئید دگزامتازون بودند استفاده شد. آزمایشات به - صورت طرح کاملاً تصادفی با ۳ تکرار انجام گرفت. نتایج حاصل نشان داد که محتوای کلروفیل های a و b و نیز کاروتنوئید و آنتوسیانین‌ها در هر دو لاین توتون تراژن پس از القا با دگزامتازون با کاهش چشمگیری نسبت به گیاهچه‌های بدون القا (شاهد) مواجه شدند. محتوای فلاونوئیدی گیاهچه‌ها در گیاهان تراژن القا شده نسبت به گیاهچه‌های شاهد تفاوت قابل ملاحظه‌ای نداشت، در حالیکه محتوای فنولی آنها افزایش یافت. خاصیت آنتی اکسیدانی عصاره گیاهان القا شده نیز بیشتر از گیاهان شاهد بود. با توجه به تشابه نتایج بدست آمده در هر دو لاین توتون تراژن می-توان نتیجه گیری نمود که ژن *tolC* در طول زمان و تکامل گیاه توانسته است ویژگی‌های عملکردی خود را حفظ نماید.

مقدمه

گیاهان در طبیعت با تنش‌های مختلفی همچون خشکی، شوری، کمبود عناصر و پاتوژن‌های گوناگون مواجه می‌شوند و متناسب با نوع تنش، پاسخ‌های دفاعی گوناگونی از خود بروز می‌دهند. یکی از میکروارگانیسم‌های موجود در خاک که توانایی آلودگی سلول‌های گیاهی خصوصاً دولپه‌ای‌ها را دارد؛ باکتری گرم منفی *آگروباکتریوم ریزوژنز* است که به دلیل ویژگی منحصر به فرد خود، توانایی انتقال ژن‌های خود به درون ژنوم میزبان و ایجاد بیماری ریشه‌های موین را دارا می‌باشد (Guillon et al. 2006). قطعه‌ای از ژنوم پلازمیدی *آ. ریزوژنز* که به درون ژنوم میزبان مهاجرت می‌کند DNA انتقال یافته (T-DNA) نامیده می‌شود که حاوی ژن‌های لوکوس ریشه *rolA*، *rolB* و *rolC* می‌باشد. مطالعات انجام شده نشان داده‌اند که برخی از گیاهان بطور طبیعی دارای توالی‌های مشابه توالی T-DNA *آگروباکتریوم* می‌باشند که از این میان می‌توان به جنس *نیکوتیانا* اشاره نمود (Meyer et al. 1999; Aoki and Syono, 1995). تصور می‌شود در طول روند تکامل پس از آلودگی گیاهان با *آگروباکتریوم* برخی از ژن‌های باکتری در ژنوم گیاه ماندگار شده‌اند. در گیاه *Nicotiana tabaccum* همولوگ ژن *rolC* *آ. ریزوژنز*، *tobacco trolC* (نامیده می‌شود و بیان اگزوزن آن در گیاهان دیگر می‌تواند همچون ژن باکتریایی، باعث کلروزه شدن گیاه، تجمع نشاسته، کاهش طول ریشه و طول اندام هوایی و افزایش جذب قند از ریشه گردد (Mohajjel shoja et al. 2011). به عبارتی ژن *trolC* توانایی عملکردی خود را در ویژگی‌های ذکر شده حفظ نموده است. گیاهان گروه بزرگ و متنوعی از ترکیبات آلی به نام متابولیت‌های ثانویه را تولید می‌کنند که مقدار آنها کمتر از یک درصد وزن خشک گیاه می‌باشد و دارای عملکردهای اکولوژیکی مهم همچون حفاظت گیاه در مقابل گیاهخواران و عوامل بیماری‌زای میکروبی، جذب گرده افشان‌ها، رقابت گیاه با گیاه و همزیستی گیاه با میکروب می‌باشند. همچنین به عنوان دارو، علف‌کش‌های زیستی، عوامل طعم دهنده، رنگ‌های طبیعی، سم‌ها، مواد توهّم‌زا (مانند کوکائین، هروئین،

مورفین) و عطرها مورد مصرف واقع می‌شوند. روش‌های مختلفی به منظور افزایش تولید این متابولیت‌ها در گیاهان به کار گرفته شده‌اند که کشت بافت‌های گیاهی و استفاده از الیستورها از مهمترین آنها می‌باشند. مهندسی ژنتیک و ایجاد گیاهان تراژن نیز یکی از روش‌های جایگزین در این حوزه می‌باشد که در آن بیان ژنی خاص در گیاه باعث افزایش قابل توجه ترکیب مورد نظر می‌گردد. گزارش‌های متعددی تأثیر مثبت ژن *rolC* *آ. ریزوژنز* را در تولید متابولیت‌های ثانویه گیاهی نشان داده‌اند که از آن جمله می‌توان به افزایش آلکالوئیدهای گوناگون، آنتراکینون‌ها و جینسنوسیدها اشاره نمود (Bonhomme et al. 2007; Bulgakov, 1998; Shkryl et al. 2000). افزایش مقدار این ترکیبات در گیاه معمولاً توأم با افزایش فعالیت آنتی‌اکسیدانی گیاه نیز می‌باشد (Bulgakov, 2008). به منظور بررسی عمیق‌تر تأثیر ژن *rolC* *آ. ریزوژنز* در گیاهان و مقایسه آن با همولوگ گیاهی *ash*، *trolC* (شکل ۱)، این پژوهش با هدف اندازه‌گیری محتوای رنگدانه‌ای و برخی متابولیت‌های ثانویه و نیز فعالیت آنتی-اکسیدانی گیاهان تراژن *rolC* و *trolC* که ژن‌ها تحت کنترل پرومتر القا شونده با گلوکوکورتیکوئید دگزامتازون بودند، در شرایط کشت درون شیشه‌ای انجام پذیرفت. کاربرد غلظت‌های فزاینده القاگر، تأثیر آن را بر چگونگی تغییر پارامترهای مذکور نیز مورد بررسی قرار داد.

مواد و روش‌ها

بذر گیاهان تراژن مورد استفاده در این پژوهش در مؤسسه بیولوژی مولکولی گیاهی شهر استراسبورگ کشور فرانسه توسط خانم دکتر هانیه محجل شجاء (نویسنده مسئول مقاله) در سال ۲۰۱۰ تولید شدند. در این گیاهان ژن‌های *rolC* و *trolC* تحت کنترل پرومتر القایی با گلوکوکورتیکوئید دگزامتازون بوده و تنها در حضور این ماده بیان این ژن‌ها صورت می‌گرفت (Amini et al. 2019). غلظت‌های استفاده شده دگزامتازون ۰، ۱، ۳، ۱۰ و ۳۰ میکرومولار در محیط کشت بود. ۵۰ عدد بذر استریل در ۲۰ میلی لیتر محیط کشت جامد MS کشت شد. جهت استریلیزاسیون،

آنتوسیانین برای هر عصاره با استفاده از رابطه‌ی زیر محاسبه گردید (Masukasu et al. 2003).

$$A = A_{530} - 0.25 A_{657}$$

ارزیابی فعالیت مهار رادیکالهای آزاد (DPPH)

این روش یکی از روش‌های مرسوم برای سنجش فعالیت آنتی-اکسیدانی نمونه‌های گیاهی می‌باشد و مبتنی بر به دام‌اندازی میزان رادیکال‌های آزاد ماده‌ای به نام ۲،۲-دی فنیل ۱-پیکریل هیدرازیل (DPPH) با استفاده از عوامل آنتی اکسیدانی می‌باشد که سبب کاهش میزان جذب در طول موج ۵۲۰ نانومتر می‌گردد. زمانی که محلول DPPH با یک ماده‌ی دهنده هیدروژن مخلوط گردد فرم احیای رادیکال‌ها تشکیل گشته با کاهش رنگ بنفش و تشکیل باند جذبی در طول موج ۵۲۰ نانومتر همراه می‌باشد. ۲ میلی لیتر DPPH ۱۰۰ میکرومولار محلول در متانول با ۲ میلی لیتر از غلظت‌های مختلف عصاره متانولی گیاه مخلوط شد. مخلوط به دست آمده ۳۰ دقیقه در دمای اتاق قرار گرفت و سپس جذب نمونه‌ها در طول موج ۵۲۰ نانومتر توسط دستگاه اسپکتروفتومتر اندازه گیری شد و درصد مهار رادیکال آزاد هر عصاره (IA) با استفاده از فرمول زیر محاسبه شد:

$$IA\% = \frac{A_{520 \text{ control}} - A_{520 \text{ sample}}}{A_{520 \text{ control}}} \times 100$$

تعیین محتوای فنول کل

محتوای فنول کل نمونه‌ها با روش فولین-سیوکالتیو اندازه‌گیری شد (Meda et al., 2005). به این منظور عصاره‌ها با غلظت ۱۰ ml/mg تهیه شد. سپس ۰/۵ ml از عصاره با ۲/۵ ml واکشگر ۰/۲ نرمال فولین سیوکالتیو مخلوط و به مدت ۵ دقیقه هم زده شد. سپس ۲ ml از محلول کربنات سدیم ۲ درصد با غلظت ۷۵ گرم در لیتر اضافه شد. پس از ۲ ساعت قرارگرفتن نمونه‌ها در دمای اتاق، جذب نمونه‌ها با دستگاه اسپکتروفتومتر در طول موج ۷۶۰ نانومتر انجام شد. مقادیر فنول تام عصاره با استفاده از منحنی استاندارد بر اساس میلی گرم گالیک اسید در گرم عصاره گزارش شد.

بذرها به مدت ۲ دقیقه در اتانول ۷۰ درصد و سپس ۱۵ دقیقه در هیپوکلریت سدیم ۱۰ درصد قرار گرفتند. سپس ۳ مرتبه و هر بار به مدت ۱۰ دقیقه با آب مقطر استریل شستشو داده شدند و پس از خشک شدن بر روی کاغذ صافی به محیط کشت انتقال داده شدند. طرح آزمایشی به کار رفته به صورت کاملاً تصادفی با ۳ تکرار بود. پتری‌دیش‌ها در دمای ۲۳°C در شرایط ۱۶ ساعت روشنایی و ۸ ساعت تاریکی قرار داده شدند. پس از طی چهار هفته از اجرای آزمایش عصاره‌گیری از گیاهچه‌ها برای هر کدام از فاکتورهای مورد بررسی، به ترتیبی که در ادامه ذکر خواهد شد، انجام گرفت و پس از جمع‌آوری داده‌های کمی، با استفاده از نرم افزار SPSS 16 مورد تجزیه و تحلیل قرار گرفتند و مقایسه میانگین‌ها با استفاده از آزمون چند دامنه‌ای دانکن در سطح احتمال ۵ درصد صورت گرفت و برای رسم نمودارها نیز از نرم-افزار Excel استفاده شد.

سنجش محتوای رنگیزه‌های فتوسنتزی و آنتوسیانین‌ها

جهت سنجش محتوای رنگیزه‌ها ۰/۱ گرم از بافت تر برگ‌ی در ۲ ml متانول خالص ساییده و همگن شدند. بعد از ۲۴ ساعت قرار گرفتن در تاریکی، به مدت ۱۰ دقیقه با دور ۱۲۰۰۰g سانتریفیوژ شدند. جذب روشنورها در طول موج‌های ۴۷۰، ۶۵۳ و ۶۶۵ نانومتر اندازه‌گیری و محتوای رنگیزه‌های فتوسنتزی با استفاده از فرمول‌های زیر محاسبه شدند (Şükran et al. 1998).

$$C_a = 15.65 A_{665} - 7.340 A_{653}$$

$$C_b = 27.05 A_{653} - 11.21 A_{665}$$

$$C_{\text{total}} = C_a / C_b$$

$$C_{x+c} = 1000 A_{470} - 2.860 C_a - 129.2 C_b / 245$$

$$\text{Chlorophyll a, } C_b = \text{Chlorophyll b, } C_{\text{total}} = \text{Total } C_a = \text{Chlorophyll, } C_{x+c} = \text{Total carotenoids}$$

برای سنجش آنتوسیانین، ۰/۲ گرم از بافت برگ‌ی گیاه در ۳ میلی لیتر محلول اسید کلریدریک ۱ درصد متانول ساییده و همگن شد و سپس عصاره حاصل به مدت ۱۵ دقیقه با دور ۱۲۰۰۰g سانتریفیوژ گردید. محلول رویی به مدت یک شب در یخچال و در تاریکی قرار داده شده و سپس جذب آن در طول موج ۵۳۰ و ۶۵۷ نانومتر با دستگاه اسپکتروفتومتر خوانده شد. از محلول اسید کلریدریک ۱ درصد متانول به عنوان شاهد استفاده گردید. میزان

تعیین محتوای فلاونوئید کل

محتوای فلاونوئید عصاره با روش رنگ‌سنجی ارزیابی شد (Chang et al. 2002). عصاره گیاهی با غلظت ۱۰ ml/mg تهیه شد. ۰/۵ ml از عصاره در ۱/۵ ml متانول حل و ۰/۱ ml آلومینیوم کلراید ۱۰ درصد به آن اضافه شد. سپس ۰/۱ ml محلول پتاسیم استات ۱ مولار و ۲/۸ ml آب مقطر به این مخلوط اضافه شد و به مدت ۳۰ دقیقه در دمای اتاق نگهداری شد. جذب مخلوط حاصل در طول موج ۴۱۵ نانومتر اندازه‌گیری شد. میزان فلاونوئید با استفاده از منحنی استاندارد بر اساس میلی‌گرم کوئرستین در گرم عصاره گزارش شد.

تجزیه و تحلیل آماری: تمام آزمایش‌ها در قالب طرح کاملاً تصادفی با ۳ تکرار انجام شد. داده‌های حاصل از سنجش‌های انجام شده، براساس روش آنالیز واریانس یک طرفه (One-Way ANOVA) با استفاده از نرم‌افزار SPSS 16 مورد تجزیه و تحلیل قرار گرفتند. پس از مشخص شدن وجود اختلاف معنی‌دار بین داده‌ها، میانگین‌ها با روش آزمون چند دامنه‌ای دانکن در سطح احتمال ۵٪ گروه‌بندی و مقایسه شدند.

نتایج و بحث

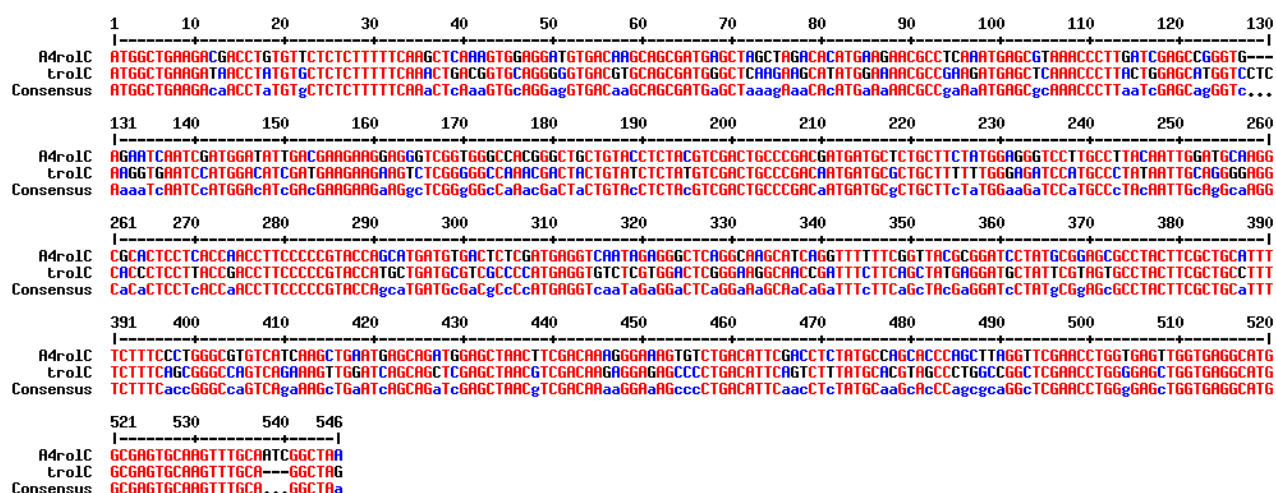
بررسی محتوای رنگدانه‌ای گیاهان

روند تغییرات رنگدانه‌های کلروفیل a و b و کاروتنوئیدها در گیاهان القاننده (گروه شاهد) و القا شده با غلظت‌های مختلف دگزامتازون در شکل ۲ آمده است و جدول ۱ تجزیه واریانس داده‌های مربوطه را نشان می‌دهد. همان‌گونه که مشاهده می‌شود محتوای رنگدانه‌ای گیاهان شاهد در هر دو لاین *rolC* و *trolC* از گیاهان گروه القا بسیار بیشتر است؛ با این‌جود غلظت‌های فزاینده القاگر، دگزامتازون، تأثیر قابل توجهی در میزان کاهش رنگدانه‌ها نداشته و به عبارت دیگر غلظت پایین آن (۱ میکرو مولار) نیز باعث بیان حداکثری ژن‌های *rolC* و *trolC* و کلروژه شدن برگ‌ها و کاهش محتوای رنگدانه‌ای آنها گردیده است. مقدار آنتوسیانین-ها نیز در گیاهان گروه شاهد بیشتر از گروه القا بوده و غلظت-های مختلف القاگر تأثیر متفاوتی در کاهش رنگدانه‌های

آنتوسیانین نداشته است (شکل ۲). نکته‌ی قابل توجهی که وجود دارد اینکه روند تأثیری ژن‌های *rolC* و *trolC* بر میزان کاهش رنگدانه‌های گیاهی مشابه همدیگر می‌باشد. مطالعات متعددی تأثیر ژن باکتریایی *rolC* را در گیاهان مختلف و تغییرات فنوتیپی را که این ژن ایجاد می‌کند نشان داده‌اند. بعضی از این تغییرات شامل کوتولگی گیاهان بیان‌کننده این ژن به دلیل کاهش غالبیت رأسی ساقه و در نتیجه افزایش غالبیت جانبی و افزایش شاخه-زایی، تسریع گلدهی، کاهش تولید دانه‌گرده، ایجاد برگ‌های باریک و دراز و رنگ پریده و مقاومت به برخی آلودگی‌های میکروبی همچون مقاومت به *Phytophthora cactorum* می‌باشد (Schmülling et al. 1988, 1993; Landi et al. 2009). ژن *trolC* از نظر توالی بیش از ۹۰ درصد به ژن *rolC* آگرو باکتریوم ریزوژنر سویه A4 شباهت دارد و تغییرات نوکلئوتیدی که منجر به تغییرات اسیدآمین‌های در توالی پروتئین کد شده توسط این ژن با پروتئین گردد وجود ندارد (شکل ۲) و بنابراین می‌توان انتظار داشت که از نظر عملکردی ویژگی‌های نیای باکتریایی خود را تا حدودی محافظت نماید. تحقیقات انجام گرفته در این زمینه نیز نشان داده‌اند که تغییر پارامترهای رشدی گیاهان تراژن *rolC* و *trolC* همچون کاهش سرعت و درصد جوانه‌زنی، کاهش ارتفاع گیاهچه‌ها، کاهش طول ریشه و اندام هوایی، افزایش جذب قند از ریشه و تجمع نشاسته در این گیاهان مشابه یکدیگر می‌باشد (Mohajjel shoja et al. 2011; Amini et al. 2019). در پژوهش حاضر نیز کاهش محتوای رنگدانه‌ای گیاهان تراژن *rolC* و *trolC* بعد از القا مشاهده شد که تأییدی بر یافته‌های گزارش‌های قبلی می‌باشد.

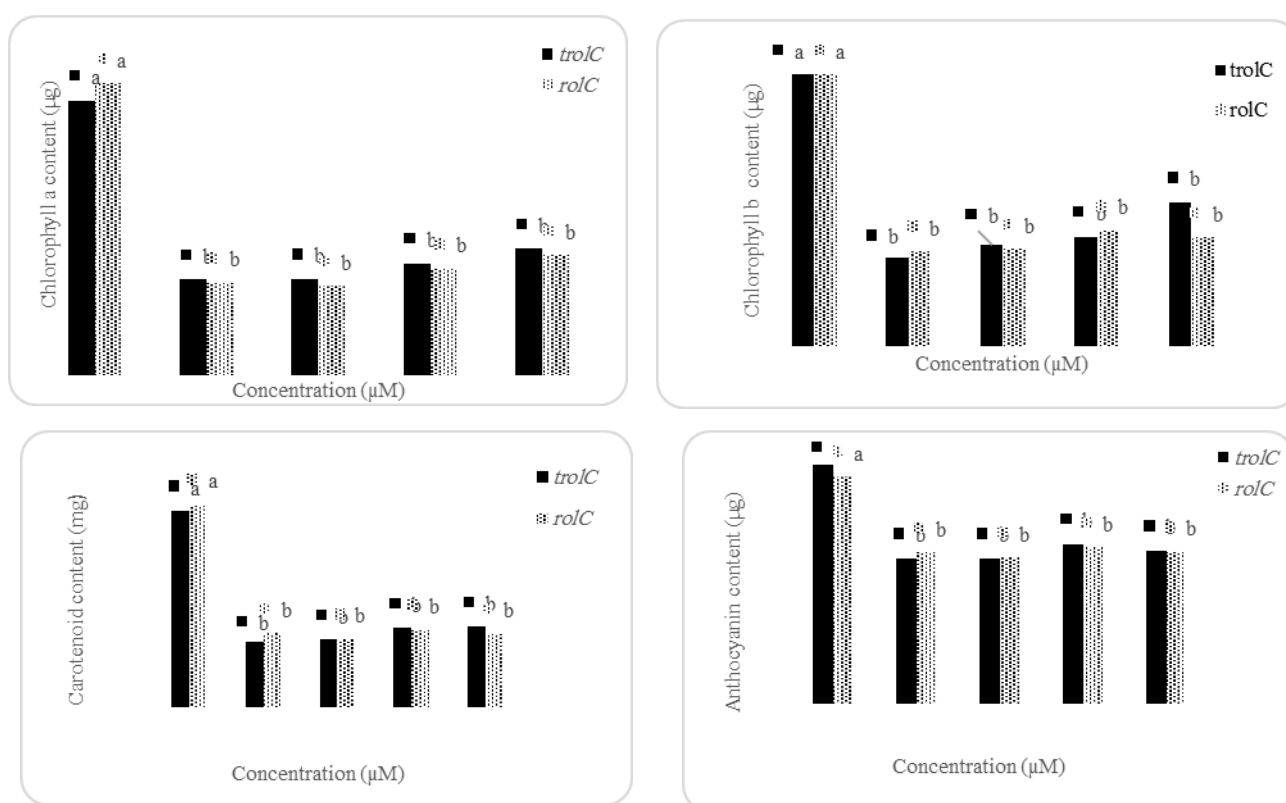
بررسی محتوای برخی متابولیت‌های ثانویه محتوای فنول و فلاونوئید کل

همان‌گونه که در شکل ۳ مشاهده می‌شود محتوای فنول کل در گیاهان تراژن *rolC* و *trolC* بعد از القا نسبت به گیاهان گروه شاهد تا حدود ۲۵٪ افزایش نشان داد و کاربرد غلظت‌های فزاینده دگزامتازون در محیط کشت تأثیر متفاوتی در افزایش فنول کل نداشت و بنابراین کمترین غلظت این ترکیب برای افزایش محتوای فنولی گیاهان کافی بود.



شکل ۱- مقایسه‌ی توالی نوکلئوتیدی ژن *rolC* آگروباکتریوم ریزوژنز (سویه A4) با همولوگ گیاهی آن در توتون، *trlC*. حروف مشخص شده با رنگ قرمز نوکلئوتیدهای یکسان در دو توالی و حروف آبی و مشکی نوکلئوتیدهای غیریکسان را نشان می‌دهند. درصد تشابه نوکلئوتیدی بیش از ۹۰ درصد می‌باشد.

Figure 1. Comparison of nucleotide sequence between *A. rhizogenes* *rolC* gene (strain A4) with its plant homologue in tobacco, *trlC*. The letters marked in red represent the same nucleotides in the two sequences, and the blue and black letters represent non-identical nucleotides. The nucleotide similarity percentage is more than 90%.

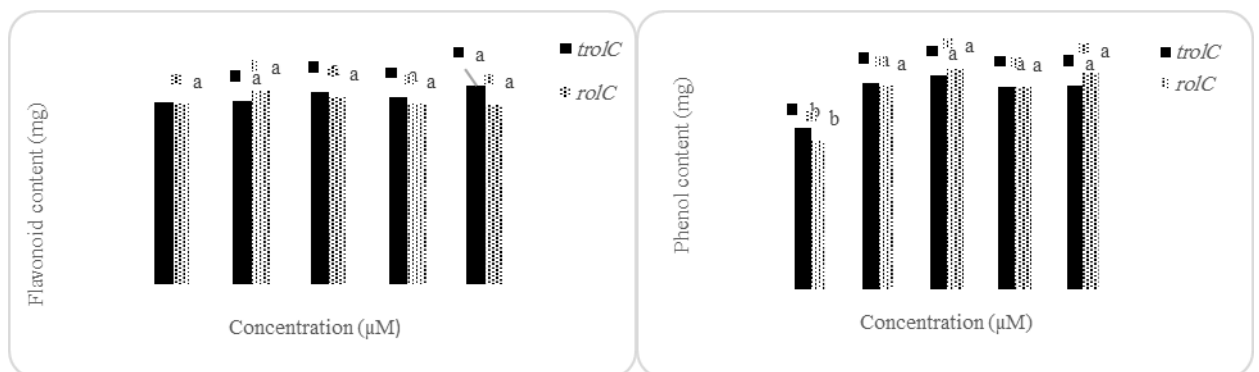


شکل ۲- محتوای رنگدانه‌ای گیاهان تراژن *rolC* و *trlC* در تیمار با غلظت‌های فزاینده دگزمتازون (dex). دگزمتازون صفر µM شرایط شاهد را نشان می‌دهد.

Figure 2. Pigment content of *rolC* and *trlC* transgenic plants in treatment with increasing concentrations of dexamethasone (dex). 0 Mµ of Dexamethasone indicates the control condition.

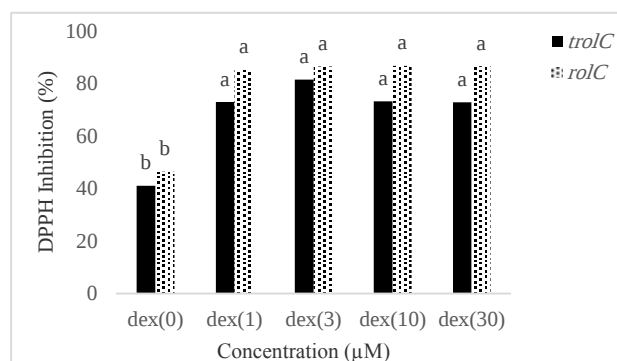
متابولیت‌های ثانویه شده و به احتمال زیاد با دخالت در واکنش‌های دفاعی گیاهان و تولید پروتئین‌هایی همچون بتا ۱ و ۳ گلوکاناز - که جزء پروتئین‌های دفاعی PR2 (phatogenesis related) گیاهی می‌باشند- در تحریک بیوستز متابولیت‌های ثانویه همچون مواد فنولی و آلکالوئیدی دخالت می‌کند. پژوهش حاضر علاوه بر ژن *rolC* نقش تحریکی ژن *trnL* را در افزایش محتوای فنول کل گیاه به اثبات رساند (شکل ۳).

گزارش‌های متعددی در مورد نقش تحریکی ژن *rolC* در بیوستز متابولیت‌های ثانویه گیاهی وجود دارد که افزایش آلکالوئیدهای مختلف (Bonhomme *et al.* 2000; Palazón *et al.* 1998)، آنتراکینون‌ها (Bulgakov *et al.* 2003; Shkryl *et al.* 2007)، جینسنوسیدها (Bulgakov *et al.* 1998)، هیوسامین و اسکوپولامین (Bonhomme *et al.* 2000a) را در این گیاهان نسبت به گیاهان شاهد نشان می‌دهد. تصور کنونی این است که ژن *rolC* با تولید سیگنالی باعث تحریک در مسیر بیوستز



شکل ۳- محتوای فنول و فلاونوئید کل گیاهان تراژن *rolC* و *trnL* در تیمار با غلظت‌های فزاینده دگزامتازون (dex). دگزامتازون صفر μM شرایط شاهد را نشان می‌دهد.

Figure 3. Total phenol and flavonoid content of *rolC* and *trnL* transgenic plants in treatment with increasing concentrations of dexamethasone (dex). 0 Mμ of Dexamethasone indicates the control condition.



شکل ۴- خاصیت آنتی‌اکسیدانی عصاره گیاهان تراژن *rolC* و *trnL* در تیمار با غلظت‌های فزاینده دگزامتازون (dex). دگزامتازون صفر μM شرایط شاهد و محور عمودی درصد مهار رادیکال‌های آزاد عصاره‌های گیاهی را که به کمک ترکیب دی فنیل پیکریل هیدرازیل (DPPH) به دام انداخته شده‌اند- نشان می‌دهد.

Figure 4. Antioxidant activity of *rolC* and *trnL* transgenic plant extracts in treatment with increasing concentrations of dexamethasone (dex). 0 Mμ of Dexamethasone indicates the control condition. Vertical axis indicates the percentage of free radicals scavenging activities of plant extracts using DPPH (2,2-diphenyl-1-picryl-hydrazyl-hydrate).

جدول ۱- تجزیه واریانس تأثیر سطوح مختلف تیمار بر صفات مورد مطالعه گیاهچه‌های توتون

Table 1. Analysis of variance of the effect of different treatment levels on studied traits of tobacco plants. ns and ** indicate non-significant and significant differences at the 1% level, respectively.

میانگین مربعات							
منابع تغییرات	درجه آزادی	a کلروفیل	b کلروفیل	کاروتنوئید	آنتوسیانین	فنول	فلاونوئید
تیمار	۳	۵۴/۸۹۱	** ۴/۸۳۶	** ۰/۳۴۶	** ۶۳۴/۸۲۹	** ۰/۰۰۵	ns ۹/۷۲۲
خطای آزمایش		۰/۶۳۶	۰/۰۷۲	۰/۰۰۲	۱۷/۶۹۴	۰/۰۰۱	۸/۱۶۷
DPPH							** ۱۴۱۶/۱۵۴
							۸۲/۲۴۷

ns و ** به ترتیب بیانگر عدم معنی دار بودن و معنی دار بودن اختلاف در سطح ۱٪ می‌باشد.

برخلاف محتوای فنولی، گیاهان تراژن *rolC* و *trolC* بعد از القا افزایشی در میزان فلاونوئید کل خود نسبت به گیاهان شاهد نشان ندادند که این امر می‌تواند بدلیل عدم تأثیر بیان این ژن‌ها در مسیر بیوسنتزی فلاونوئیدها و آنزیم‌های مربوطه باشد. در گزارش‌های متعددی نیز همواره می‌توان تأثیر مثبت یک عامل بیولوژیک یا غیربیولوژیک را بر تحریک سنتز یک نوع متابولیت ثانویه و نه الزاماً بر روی متابولیت دیگر مشاهده نمود. سبحانی‌زاده و همکاران (Sobhanizadeh et al. 2017) نشان دادند که نانوذرات نقره سبب کاهش چشمگیر مقادیر فنول تام در عصاره استخراج شده از کالوس‌های گیاه سیاه دانه شد در حالیکه محتوای فلاونوئیدی آنها تغییر چندانی نکرد. جلیلی و همکاران (Jalili et al. 2017) نیز با تأثیر اشعه گاما در دوز شدید بر گیاه درمنه کوهی (*Artemisia aucheri*) نشان دادند که محتوای فنول کل گیاهان تحت تیمار افزایش یافت در حالیکه میزان فلاونوئید و تانن در آنها سیر کاهشی نشان داد. آنها یکی از دلایل احتمالی این امر را کاهش فعالیت آنزیم اختصاصی مسیر بیوسنتز فلاونوئیدها، آنزیم چالکون سنتاز، و یا جهش در ژن کد کننده آن برشمردند.

ارزیابی فعالیت آنتی اکسیدانی

بررسی مقایسه‌ای فعالیت آنتی اکسیدانی عصاره گیاهان تراژن القا شده و گیاهان شاهد نشان داد که در گیاهان تراژن *rolC* و *trolC* القا شده، قدرت احیاکنندگی رادیکال‌های آزاد در حدود ۵۰ درصد بیشتر از گیاهان شاهد بود و این گیاهان درصد بیشتری از رادیکال‌های آزاد را به دام انداخته و مهار نمودند (شکل ۴). از طرف دیگر غلظت‌های فزاینده دگزامتازون در محیط کشت تأثیری در فعالیت آنتی اکسیدانی عصاره‌ها اعمال نکرد. همراستا با نتایج بدست آمده در این پژوهش، ایسمعیل و همکاران نشان دادند که

فعالیت آنتی اکسیدانی گیاهان *Lactuca sativa* که ژن *rolC* را بیان می‌کنند، بسیار بیشتر از گیاهان وحشی می‌باشد (Ismail et al. 2016). بموازات در سلول‌های گیاهی تراژن *Rubia cordifolia* با ژن *rolC* کاهش قابل ملاحظه‌ای در مقدار گونه‌های فعال اکسیژن (ROS) نسبت به سلول‌های غیرتراژن مشاهده شد که نشان از حذف ROSها به دلیل افزایش خاصیت آنتی-اکسیدانی عصاره این سلول‌ها بود (Bulgakov, 2008). فعالیت آنتی اکسیدانی عصاره‌های گیاهی که در جلوگیری از تنش‌های اکسیداتیو نقش اصلی را ایفا می‌کند؛ به دلیل حضور ترکیبات غیرآنزیمی همچون فنول‌ها و فلاونوئیدها و رنگدانه‌هایی همچون کارتنوئیدها و آنتوسیانین‌ها و یا حضور آنزیم‌های آنتی اکسیدانی (پراکسیداز، کاتالاز و سوپر اکسید دیسموتاز) مربوط می‌باشد (Bailey-Serres and Mittler, 2006). گیاهان به عنوان موجوداتی هوشمند شرایط غیرطبیعی محیط زیست خود را بلافاصله ادراک نموده و متناسب با این شرایط، پاسخ‌های دفاعی متنوعی از خود بروز می‌دهند که در سطوح مختلف متابولیکی، مولکولی، مورفولوژیک و ساختاری نمود می‌یابند. تمامی این پاسخ‌ها بطور همزمان بروز نکرده و اولویت‌بندی بروز هر یک از پاسخ‌های دفاعی بسته به نوع گیاه و نوع تنش بسیار متغیر است. در پژوهش حاضر، گیاهان تراژن القا شده، افزایش محتوای ترکیبات فنولی خود را که با افزایش فعالیت آنتی اکسیدانی نیز همراه است در اولویت قرار داده و با سنتز بیشتر مواد فنولی، پیش‌تر از سایر ترکیبات آنتی اکسیدان (فلاونوئیدها، کارتنوئیدها و آنتوسیانین‌ها) با حضور اگزورژن‌های *rolC* و *trolC* و اثرات آنها مقابله نمودند. در یک جمع‌بندی کلی از یافته‌های این پژوهش می‌توان چنین نتیجه-گیری نمود که همولوگ گیاهی ژن *rolC* باکتریایی یعنی ژن

فعالیت آنزیم‌های آنتی‌اکسیدان، بررسی‌های تشریحی - تکوینی و نیز مطالعات مولکولی گیاهان تراژن می‌تواند اطلاعات جامع‌تری در مورد مکانیسم عملکرد این ژن‌ها ارائه دهد.

rolC توانسته است در طول زمان و تکامل گیاه توتون ویژگی‌های عملکردی خود را حفظ نماید و مشابه با ژن باکتریایی باعث ایجاد تغییرات مورفولوژیک، فیزیولوژیک و بیوشیمیایی گردد. ادامه مطالعات عمیق‌تر در سطح بیوشیمیایی خصوصاً بررسی

منابع

- Amini G, Mohajjel Shoja H, Mohajjel Kazemi E, Motafakker Azad, R. 2019. Investigation of the effect of *rolC* and *trolC* genes on germination and growth parameters of transgenic tobacco (*Nicotiana tabacum*) seedlings. Journal of Cellular and Molecular Research 32(2): 155-165. (In Farsi with English abstract).
- Aoki S, Syono K. 1999c. Horizontal gene transfer and mutation: *Ngrol* genes in the genome of *Nicotiana glauca*. Proc. Natl. Acad. Sci. U.S.A 96: 13229-13234.
- Bailey-Serres J, Mittler R. 2006. The Roles of Reactive Oxygen Species in Plant Cells. Plant physiology 141: 311
- Bonhomme V, Laurain-Mattar D, Fliniaux MA. 2000. Effects of the *rolC* gene on hairy root: induction development and tropane alkaloid production by *Atropa belladonna*. J Nat Prod 63(9):1249-52.
- Bulgakov VP, Khodakovskaya MV, Labetskaya NV, Chernoded GK, Zhuravlev YN. 1998. The impact of plant *rolC* oncogene on ginsenoside production by ginseng hairy root cultures. Phytochemistry 49:1929-1934.
- Bulgakov VP, Tchernoded GK, Mischenko NP, Shkryl YN, Glazunov VP, Fedoreyev SA, Zhuravlev YN. 2003. Effects of Ca^{+2} channel blockers and protein kinase/phosphatase inhibitors on growth and anthraquinone production in *Rubia cordifolia* callus cultures transformed by the *rolB* and *rolC* genes. Planta 217: 349-355.
- Chang C, Yang M, Wen H, Chern J. 2002. Estimation of total flavonoid content in propolis by two complementary colorimetric methods. J. Food Drug Analysis 10: 178-182.
- Guillon S1, Trémouillaux-Guiller J, Pati PK, Rideau M, Gantet P. 2006. Harnessing the potential of hairy roots: dawn of a new era. Trends Biotechnol 24(9):403-9.
- Ismail H, Dilshad E, Waheed MT, Sajid M, Kayani WK, Mirza B. 2016. Transformation of *Lactuca sativa* L. with *rolC* gene results in increased antioxidant potential and enhanced analgesic, anti-inflammatory and antidepressant activities in vivo. 3 Biotech 6(2): 215.
- Jalili Sh, Ehsanpour AA, Asghary GhR, Abdi MR. 2017. Effect of gamma radiation on physiological and antioxidant factors of *Artemisia aucheri* boiss. Journal of Plant Research 29(4): 741-750. (In Farsi with English abstract).
- Landi F, Capocasa E, Costantini B, Mezzetti M. 2009. *rolC* strawberry plant adaptability, productivity, and tolerance to soil-borne disease and mycorrhizal interactions. Transgenic Res 18(6): 933-942
- Masukasu H, Karin O, Kyoto H. 2003. Enhancement of anthocyanin biosynthesis by sugar in radish (*Raphanus sativus*) hypocotyls. Plant Science 164: 259-265.
- Meda A, Lamien CE, Romito M, Millogo J, Nacoulma OG. 2005. Determination of the total phenolic, flavonoid and proline contents in Burkina Fasan honey, as well as their radical scavenging activity. Food Chemistry 91: 571-577.
- Meyer AD, Ichikawa T, Meins F. 1995. Horizontal gene transfer: regulated expression of tobacco homologue of the *Agrobacterium rhizogenes rolC* gene. Mol. Gen. Genet 249: 265-273.
- Mohajjel-Shoja H, Clement B, Perot J. 2011. Biological activity of the *Agrobacterium rhizogenes*-derived *trolC* gene of *Nicotiana tabacum* and its functional relation to other plant genes. MPMI 24: 44-53.
- Palazon J, Cusido RM, Roig C, Piñol, MT. 1998. Expression of the *rolC* gene and nicotine production in transgenic roots and their regenerated plants. Plant Cell Reports, 17: 384-390.
- Schmülling T, Fladung M, Grossmann K, Schell J. 1993. Hormonal content and sensitivity of transgenic tobacco and potato plants expressing single *rol* genes of *Agrobacterium rhizogenes* T-DNA. Plant J 3: 371-382.
- Schmülling T, Schell J, Spena A. 1988. Single genes from *Agrobacterium rhizogenes* influence plant development. EMBO J7: 2621-2629.
- Shkryl YN, Veremeichik GN, Bulgakov VP, Tchernoded GK, Mischenko NP, Fedoreyev SA, Zhuravlev YN. 2008. Individual and combined

effects of the *rolA*, *B* and *C* genes on anthraquinone production in *Rubia cordifolia* transformed calli. Biotechnol. Bioeng 1: 118-125.

Sobhanizadeh A, Solouki M, Fazeli-Nasab B. 2017. Optimization of Callus Induction and Effects of Biological and Non-biological Elicitors on Content of Phenol/ Flavonoid Compounds in *Nigella sativa* under In-Vitro Conditions. Cell and Tissue Journal 8(2): 165-184. (In Farsi with English abstract).

Sükran D, Tohit G, Rıdvan S. 1998. Spectrophotometric Determination of chlorophyll - A, B and total carotenoid contents of some algae species using different solvents. Tr. J. Bot. 22: 13-17.

Genetic Engineering and Biosafety Journal

Volume 8, Number 2

Evaluation of antioxidant activity, phenolic contents and pigment level of *rolC* and *trnC* transgenic tobacco plants

Gita Amini, Hanieh Mohajjel Shoja*, Rohollah Motafakkerazad, Elham Mohajjel Kazemi

Department of Plant Biology, Faculty of Natural Science, University of Tabriz, IRAN

*Corresponding Author Email: mohajjelh@yahoo.com

Abstract

Agrobacterium is one of the gram negative genera of soil bacteria that causes many diseases in plants through the use of horizontal gene transfer. The *rol* genes of *A. rhizogenes*, *rolA*, *rolB* and *rolC*, are the major causes of 'hairy root' symptoms in infected plants. It has been demonstrated that *rol* genes could have a positive effect on secondary metabolism in plants. The homologue of *rol* genes has also been found in some plants such as the genus *Nicotiana* and a member of *Scrophulariaceae*, *Linaria vulgaris*. Here we examined the effect of *A. rhizogenes* *rolC* gene and its homologue in tobacco, *trnC* gene, on pigment content, production of some secondary metabolites and antioxidant activity in 'in vitro' cultured 4-week old seedlings. In *Nicotiana* plants, the transgenes were located under the control of dexamethasone inducible promoter. Methanol extracts of aerial parts of seedlings were prepared and DPPH radical scavenging method was used to evaluate the antioxidant activity. Experiments were performed in completely randomized design with 3 replications. Results showed that in induced transgenic lines, pigments content (chlorophyll a, chlorophyll b, carotenoid and anthocyanin) were decreased and total phenol contents were significantly increased compared to non-induced plants (control) and DPPH radical scavenging activity exhibited a remarkable increase in induced plants. However, the level of flavonoids didn't show a significant change. These results indicate that plant homologue of bacterial *rolC* gene, *trnC*, functions as *rolC* and can be used as an alternative to enhance the level of secondary metabolite in plants.

Keywords: *rol* genes, *Nicotiana tabacum*, antioxidant activity, phenolic content