

بیان متفاوت ژن *NPR1* و برخی از ژن‌های مرتبط با بیماری زایی در

پاسخ به مصرف اسیدسالیسیلیک و متیل جاسمونات در برنج

Different expression pattern of *NPR1* and some of pathogenesis related genes in response to salicylic acid and methyl jasmonate treatment in rice

ژاله حکمتی^۱، علی اعلمی^{۲*}، محمدمهدی سوهانی^۲، رضا شیرزادیان خرم‌آباد^۲ و سیده حمیده کاروانکش^۳

Zhale Hekmati¹, Ali Aalami^{2*}, Mohamad Mehdi Sohani², Reza Shirzadian Khorramabadi² and Seyede Hamide Karvankesh³

۱- دانشجوی دکتری بیوتکنولوژی کشاورزی، دانشکده علوم کشاورزی، دانشگاه گیلان

۲- استادیار دانشکده علوم کشاورزی، دانشگاه گیلان

۳- دانش آموخته ارشد بیوتکنولوژی کشاورزی، دانشکده علوم کشاورزی، دانشگاه گیلان

1- PhD Student of Agricultural Biotechnology, Faculty of Agricultural Sciences, University of Guilan.

2- Assistant Professor, Faculty of Agricultural Sciences, University of Guilan.

3- Graduated M.s.c. of Agricultural Biotechnology, Faculty of Agricultural Sciences, University of Guilan.

* نویسنده مسئول مکاتبات، پست الکترونیکی: ali_aalami@guilan.ac.ir

(تاریخ دریافت: ۹۳/۲/۲۰ - تاریخ پذیرش: ۹۳/۹/۱۵)

چکیده

مسیرهای انتقال پیام توسط اسیدسالیسیلیک و متیل جاسمونات به صورت آنتاگونیست یا در بعضی موارد هم‌افزا عمل می‌کنند، تنظیم تداخل این دو مسیر سبب ایجاد مقاومت در گیاهان در مقابل حمله پاتوژن‌ها می‌شود. ژن تنظیمی *NPR1* نقش مؤثری را در تنظیم تداخل مسیر انتقال پیام اسیدسالیسیلیک و متیل جاسمونات به عهده دارد، فعال شدن *NPR1* وابسته به میزان این دو هورمون در گیاه است. بر این اساس در این پژوهش اثر آنتاگونیستی و هم‌افزایی اسیدسالیسیلیک و متیل جاسمونات بر الگوی بیان ژن تنظیمی *NPR1* و برخی از ژن‌های مرتبط با بیماری زایی شامل *PR1*، دیفنسین (*PDF1.2*) و تیونین (*Thi2.1*) با استفاده از روش Real time PCR در دو رقم خزر و هاشمی در زمان‌های صفر، ۶، ۱۲، ۲۴ و ۴۸ ساعت بررسی شد. نتایج نشان داد ژن‌های مورد بررسی با مصرف اسیدسالیسیلیک و متیل جاسمونات در ژنوتیپ‌ها و زمان‌های مختلف، الگوی تظاهر متفاوتی داشتند که نشان دهنده وجود مسیرهای تنظیمی مرتبط بین این دو هورمون کلیدی در القای ژن‌های دفاعی است. بیان تمام ژن‌های مورد بررسی در رقم مقاوم خزر افزایش یافت درحالی‌که در رقم هاشمی الگوی بیان ژن *PR1* تغییری نشان نداد و بیان سایر ژن‌های مورد بررسی نیز از سطوح پایینی برخوردار بود. همچنین افزایش بیان ژن *NPR1* در پاسخ به تیمار با اسیدسالیسیلیک در زمان‌های زودتری نسبت به تیمار با متیل جاسمونات اتفاق افتاد. در کل اثر آنتاگونیستی و هم‌افزایی اسیدسالیسیلیک و متیل جاسمونات منجر به تغییرات بیان ژن‌های مورد بررسی در زمان‌های مختلف شد، که احتمال دارد نتیجه آن در ژنوتیپ مقاوم، شکل‌گیری سیستم دفاعی مناسب در گیاه است.

واژه‌های کلیدی

اسید سالیسیلیک

آنتوگونیست

برنج

ژن‌های مرتبط با بیماری زایی

متیل جاسمونات

مقدمه

گیاهان در طول حیات خود مورد حمله تعداد زیادی از پاتوژن‌ها، علف‌خوارها و پارازیت‌ها قرار می‌گیرند که جهت مقابله با آن‌ها پاسخ‌های دفاعی متعددی را فعال می‌کنند (Koorneef and Pieterse, 2008). از این پاسخ‌های دفاعی می‌توان به مقاومت اکتسابی سیستمیک (Systemic acquired resistance: SAR) اشاره کرد که سبب تولید پروتئین‌های مرتبط با بیماری‌زایی و واکنش فوق حساسیت در گیاه می‌شود که منجر به نکروزه شدن محل آلودگی شده و به این ترتیب از گسترش بیماری جلوگیری می‌کند، هورمون اسیدسالیسیلیک عامل کلیدی در شکل‌گیری این نوع مقاومت محسوب می‌شود (Durrant and Dong, 2004)، نوع دیگری از پاسخ‌های دفاعی مقاومت القایی سیستمیک (Induced systemic resistance: ISR) است که در نتیجه ایجاد زخم و آسیب به بافت‌های گیاه که به‌طور معمول توسط حشرات مکنده به‌وجود می‌آید، تولید می‌شود، هورمون‌های اتیلن و متیل جاسمونات در شکل‌گیری این نوع مقاومت مؤثر هستند (Kessler and Baldwin, 2002). بر طبق گزارش‌های متعدد نقش کلیدی هورمون‌های اسیدسالیسیلیک، متیل جاسمونات و اتیلن در پاسخ‌های دفاعی و مقاومت در مقابل بیماری‌ها و آفات مشخص شده است (Von Dahl and Baldwin, 2007; Van Loon et al., 2006). به‌طور کلی می‌توان گفت پاتوژن‌های بیوتروف بیشتر نسبت به مقاومت القا شده توسط مسیر انتقال پیام اسیدسالیسیلیک حساس هستند و پاتوژن‌های نکروتروف و حشرات علف‌خوار توسط مقاومت القا شده به‌وسیله متیل جاسمونات و اتیلن سرکوب می‌شوند (Glazebrook, 2005)، البته استثنایی هم در این زمینه وجود دارد (Thaler et al., 2004).

پژوهش‌های بیان ژن نشان می‌دهد که بین مسیرهای انتقال پیام اسیدسالیسیلیک، متیل جاسمونات و اتیلن برهمکنش وجود دارد که این برهمکنش می‌تواند از نوع مثبت یا منفی باشد، به این معنی که این هورمون‌ها می‌توانند اثرهای یکدیگر را تقویت و یا تضعیف کنند (De Vos et al., 2005). یکی از مثال‌های شناخته شده، تداخل مسیر انتقال پیام اسیدسالیسیلیک و متیل جاسمونات است (Beckers and Spoel, 2006)، در پژوهشی که روی گیاه آرابیدوپسیس انجام شد فعال شدن مسیر دفاعی اسید سالیسیلیک

از طریق آلودگی با پاتوژن بیوتروف *Pseudomonas syringae* منجر به حساسیت این گیاه به پاتوژن نکروتروف *Alternaria brassicicola* که توسط مسیر دفاعی متیل جاسمونات سرکوب می‌شود، شد (Spoel et al., 2007). با این‌که پژوهش‌های بسیاری اثر آنتاگونیستی و تضعیف‌کننده بین این دو هورمون را نشان می‌دهد، اثر هم‌افزایی و تقویت‌کننده نیز بین این دو هورمون مشاهده شده است (Van Wees et al., 2000; Mur et al., 2006). اسیدسالیسیلیک بیان ژن‌های دفاعی را از طریق پروتئین تنظیمی *NPR1* (Non-expressor of pathogenesis related genes 1) که یک ملکول کلیدی واسطه‌ای مقاومت اکتسابی سیستمیک در تک‌په‌ای‌ها و دولپه‌ای‌ها است، افزایش می‌دهد (Dong, 2004). میزان اسیدسالیسیلیک پس از آلودگی گیاه توسط پاتوژن‌ها افزایش می‌یابد، که این امر منجر به تولید گونه‌های فعال اکسیژن در گیاه می‌شود که نتیجه آن انتقال *NPR1* از سیتوپلاسم به هسته است. *NPR1* در هسته به همراه فاکتورهای رونویسی سبب بیان برخی از ژن‌های مرتبط با ساز و کارهای مقاومت در گیاه می‌شود (Pieterse and Vanloon, 2004)، از جمله این ژن‌ها می‌توان به پروتئین‌های مرتبط با بیماری‌زایی (Pathogenesis related proteins: PRPs) اشاره کرد، که بسیاری از آن‌ها دارای فعالیت‌های ضد میکروبی هستند (Van Loon et al., 2006). موتاسیون در ژن *NPR1* منجر به عدم تولید محصولات مسیر اسیدسالیسیلیک و در نتیجه حساسیت گیاه به پاتوژن‌های بیوتروف می‌شود (Dong, 2004). از طرف دیگر در پژوهشی که روی گیاه برنج انجام شد، مشاهده شد که افزایش بیان ژن *OsNPR1*، و فعال شدن *NPR1* در سیتوسول مانع ادامه مسیر انتقال پیام متیل جاسمونات و بیان ژن‌های این مسیر می‌شود که این امر سبب حساسیت گیاه به حشرات علف‌خوار می‌شود (Yuan et al., 2007).

بر این اساس با توجه به نقش کلیدی اسیدسالیسیلیک و متیل جاسمونات در فرآیند دفاع گیاهی و رفتار متفاوت آن‌ها بر تظاهر ژن‌های درگیر، در پژوهش حاضر الگوی بیان ژن تنظیمی *NPR1* و برخی از ژن‌های کدکننده پروتئین‌های مرتبط با بیماری‌زایی در نتیجه محلول پاشی اسیدسالیسیلیک و متیل جاسمونات در دو رقم بومی و اصلاح شده برنج مورد مقایسه

و بررسی قرار گرفت.

مواد و روش‌ها

مواد گیاهی: در این پژوهش ارقام هاشمی (رقم بومی و رایج منطقه) و خزر (رقم اصلاح شده) مورد بررسی قرار گرفت. براساس پژوهش‌های مؤسسه تحقیقات برنج کشور در رشت (Momeni et al. 2006)، رقم خزر مقاوم به بیماری شایع بلاست و رقم هاشمی به این بیماری حساس است. قبل از کاشت، بذرها ضدعفونی شده و سپس در گلدان‌های حاوی خاک استریل کشت شدند.

تیمار گیاهان: برای اعمال تیمار از گیاهچه‌های برنج در مرحله سه‌برگی و قبل از ظهور برگ چهارم استفاده شد. برای این منظور از محلول اسیدسالیسیلیک (مرک-آلمان) با غلظت مؤثر دو میلی‌مولار و محلول متیل جاسمونات (دویچه‌فا-هلند) با غلظت مؤثر ۰/۱ میلی‌مولار به صورت محلول پاشی در شرایط کنترل شده دمایی 22 ± 2 درجه سانتیگراد و دوره نوری ۱۴ ساعت روشنایی استفاده شد (Daw et al. 2008; Taheri and Tarighi, 2010). بدین صورت که ابتدا گیاهان کشت شده در گلدان به سه گروه مجزا با فاصله تقسیم و گروه اول با محلول اسیدسالیسیلیک و گروه دوم با محلول متیل جاسمونات و گروه سوم که نمونه‌های شاهد محسوب می‌شدند با آب مقطر محلول پاشی شدند. سپس

نمونه‌گیری در پنج مرحله زمانی شامل صفر، ۶، ۱۲، ۲۴ و ۴۸ ساعت پس از تیمار (Daw et al. 2008) انجام شد. در هر نمونه‌گیری ۱۰۰ میلی‌گرم از بافت برگ‌ی جدا شده، بلافاصله در نیتروژن مایع قرار گرفت و سپس به فریزر ۸۰- منتقل شد.

بررسی بیان ژن‌ها به روش Real Time PCR: جهت بررسی بیان ژن‌ها در دو نمونه تیمار و شاهد مربوط به دو رقم هاشمی و خزر، استخراج آر.ان.ا. براساس دستورالعمل کیت RNX-Plus (شرکت سیناژن) انجام شد. کیفیت و کمیت آر.ان.ا. استخراجی با استفاده از الکتروفورز ژل آگارز یک درصد و دستگاه اسپکتروفتومتر تأیید شد و پس از آن برای از بین بردن آلودگی‌های دی.ان.ای ژنومی، نمونه‌ها با DNase تیمار و سپس ساخت cDNA با استفاده از کیت Fermentas K1621 انجام شد. پس از ساخت cDNA واکنش‌های کنترل مثبت و منفی به منظور بررسی صحت ساخت cDNA و عدم وجود آلودگی‌های ژنومی صورت گرفت و پس از تأیید cDNA ساخته شده، میزان بیان برخی از ژن‌های مرتبط با ساز و کارهای مقاومت شامل ژن تنظیم کننده مسیرهای پیام رسان، *NPR1*، سه پروتئین مهم مرتبط با بیماری‌زایی (PRP) از جمله *PR1*، دیفنسین (*PDF1.2*) و تیونین (*Thi2.1*) بررسی شد جهت نرمال‌سازی داده‌ها نیز از ژن 18S ریبوزومی به عنوان ژن مرجع استفاده شد (جدول ۱).

جدول ۱- آغازگرهای مورد استفاده در این پژوهش

Table 1- Primers used in this study

ژن Gene	توالی آغازگر Sequence of primer (5'-3')	دمای اتصال (°C) Annealing temperature	منبع References
18S rRNA	F: 5'-CTACGTCCCTGCCCTTTGTACA-3' R: 5'-ACACTTCACCGGACCATTCAA-3'	58	(Jain et al. 2006)
OsNPR1	F: 5'-TGGCAGGTGAGAGTCTACGA-3' R: 5'-AGGTGGATTTGCACCAGAAC-3'	57	(Sugano et al. 2010)
OsPR1	F: 5'-CGCTGTGTGTTTGTGTTATGTC-3' R: 5'-CGTGGTTTTGTCTTTATTTCATCC-3'	58	(Mitsuhara et al. 2008)
PDF1.2	F: 5'-ATCACCCCTTATCTTCGCTGC-3' R: 5'-TGCTGGGAAGACATAGTTGC-3'	57	(Qu et al. 2010)
Thi2.1	F: 5'-GCTAGGCTTAGTCCTGCAAC-3' R: 5'-GGTGACAGTCTCAGCTTCCT-3'	56	(Sadati et al. 2012)

درجه با توقف پنج ثانیه‌ای در هر مرحله برای تهیه منحنی ذوب نمونه‌ها در نظر گرفته شد. داده‌های حاصل از Real Time PCR براساس روش $\Delta\Delta Ct$ (Hunt, 2006) با داده‌های ژن مرجع نرمال شدند سپس این داده‌ها براساس آزمایش فاکتوریل اسپلیت در زمان در قالب طرح به‌طور کامل تصادفی تجزیه شد که پلات اصلی ترکیب دو عامل ژنوتیپ (هاشمی و خزر) و اسپری پاشی (اسیدسالیسیلیک و متیل جاسمونات) و پلات فرعی زمان‌های نمونه‌گیری بودند. جهت مقایسه میانگین‌ها از روش توکی در سطح احتمال پنج درصد استفاده شد. تجزیه داده‌ها با نرم افزار SAS نسخه نه صورت گرفت.

واکنش‌های Real Time PCR با استفاده از محلول SYBR Green ساخت شرکت Fermentas در حجم ۲۵ میکرولیتر شامل ۱۲/۵ میکرولیتر از Master Mix، ۶/۵ میکرولیتر آب عاری از نوکلئاز، دو میکرولیتر آغازگر پیشرو (۰/۳ میکرومولار)، ۲ میکرولیتر آغازگر پسرو (۰/۳ میکرومولار) و ۲ میکرولیتر cDNA (۵۰۰ نانوگرم)، انجام شد. چرخه دمایی و برنامه زنجیره‌ای پلیمراز شامل مرحله واسرشت‌سازی اولیه (پنج دقیقه در دمای ۹۵ درجه سانتی‌گراد)، سپس ۳۵ سیکل شامل واسرشت‌سازی (ده ثانیه در ۹۵ درجه سانتی‌گراد)، اتصال آغازگر (۴۵ ثانیه در دمای اتصال تعیین شده در جدول یک) و بسط آغازگر (۱۵ ثانیه در ۷۲ درجه سانتی‌گراد) و در پایان یک چرخه حرارتی از دمای ۶۰ الی ۹۵

جدول ۲- تجزیه واریانس بیان ژنهای مورد مطالعه تحت تیمار متیل جاسمونات و اسید سالیسیلیک در دو رقم برنج خزر و هاشمی

Table 2- Analysis of variance for expression of the studied genes under methyl jasmonate and salicylic acid treatments in two rice cultivars of Khazar and Hashemi

منبع تغییرات Source of variation	میانگین مربعات MS			
	<i>NPR1</i>	<i>PR1</i>	<i>PDF1.2</i>	<i>Thi2.1</i>
ژنوتیپ Genotype	2795.06 **	10465.22500**	19758.02500**	78411.02500**
محلول پاشی Spraying	13.94*	0.62500 ^{n.s}	1946.02500**	1525.22500**
محلول پاشی در ژنوتیپ Spraying*Genotype	2235.02500**	0.62500 ^{n.s}	950.62500**	1221.02500**
خطای اول Error 1	5.82500	5.82500	3.55833	9.62500
زمان Time	6768.53750**	2539.68750**	3367.46250**	9456.16250**
زمان در ژنوتیپ Time*Genotype	1860.91250**	1920.78750**	3170.46250**	5658.83750**
زمان در محلول پاشی Time*Spraying	5264.91250**	1297.81250**	3923.21250**	8253.91250**
زمان در ژنوتیپ در محلول پاشی Time*Genotype*Spraying	6887.08750**	1288.81250**	3504.56250**	10380.08750**
زمان در تکرار Time*Replication	16.28750 ^{n.s}	17.91250 ^{n.s}	21.68750 ^{n.s}	35.08750**
خطای ۲ Error 2	10.3875	6.92917	5.37083	5.7708

^{ns}، * و **: به ترتیب غیرمعنی‌دار و معنی‌دار در سطح احتمال ۵ و ۱ درصد

^{ns}، * and **: Non-significant, significant at 5% and 1% probability levels, respectively

نتایج و بحث

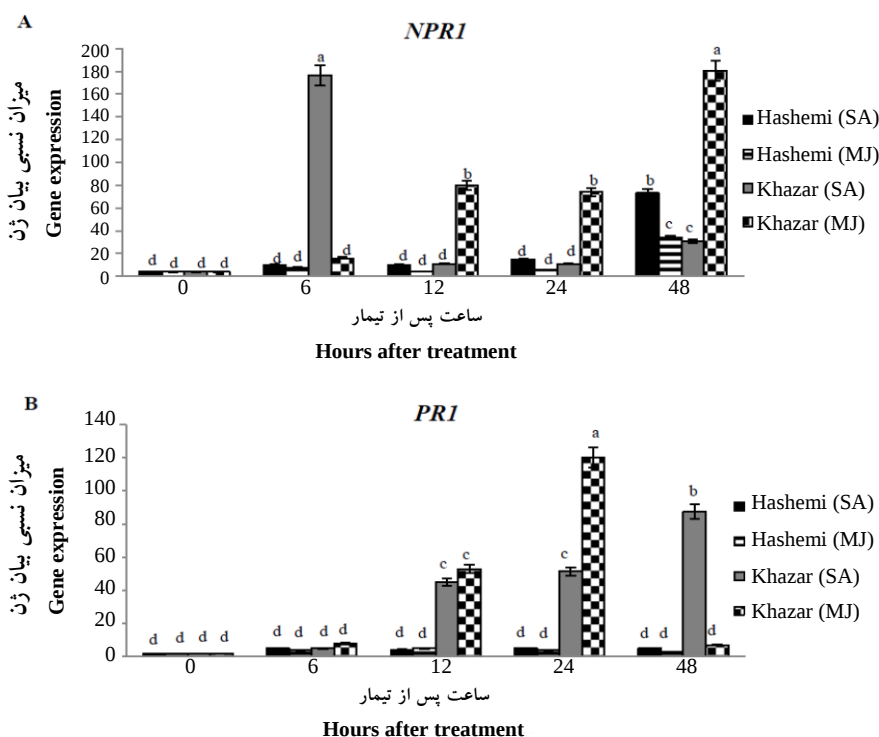
نتایج تجزیه واریانس بیان ژن‌های مورد پژوهش براساس داده‌های Real Time PCR نشان داد (جدول ۲)، اثر متقابل ژنوتیپ با محلول‌پاشی اسیدسالیسیلیک و متیل جاسمونات در زمان‌های مورد بررسی برای چهار ژن یاد شده دارای اختلاف معنی‌دار در سطح احتمال یک درصد است که این نشان دهنده وجود برهمکنش و رفتار متفاوت ژنوتیپ‌ها در پاسخ به مصرف اسیدسالیسیلیک و یا متیل جاسمونات در زمان‌های فوق است. بر این اساس جهت ارزیابی دقیق‌تر اثر (هم‌افزایی یا آنتاگونیست) این دو ترکیب در القای ژن‌های مرتبط با پاسخ‌های دفاعی، بیان هر ژن در دو ژنوتیپ و در زمان‌های مختلف مورد مقایسه قرار گرفتند.

بررسی اثر آنتاگونیستی و هم‌افزایی اسیدسالیسیلیک و متیل جاسمونات بر الگوی بیان ژن تنظیمی *NPR1* و *PR1*: نتایج حاصل از داده‌های Real Time PCR نشان دهنده تفاوت معنی‌دار الگوی بیان ژن *OsNPR1* در رقم خزر و هاشمی در زمان‌های مختلف است، به نحوی که بیشترین میزان بیان این ژن در رقم خزر در زمان شش ساعت پس از تیمار با اسیدسالیسیلیک اتفاق افتاد در حالی که در رقم هاشمی میزان بیان این ژن در زمان ۴۸ ساعت پس از تیمار به حداکثر مقدار خود رسید (شکل ۱A)، از آنجا که *NPR1* پروتئین تنظیمی مسیر مقاومت اکتسابی سیستمیک با واسطه اسیدسالیسیلیک محسوب می‌شود افزایش بیان این ژن پس از تیمار با اسیدسالیسیلیک قابل انتظار است، مقاومت ذاتی رقم خزر و به احتمال زیاد دارا بودن مقادیر بیشتری از اسیدسالیسیلیک درونی (Silverman et al., 1995) باعث می‌شود که افزایش بیان این ژن در رقم خزر در زمان زودتری نسبت به هاشمی اتفاق بیافتد.

نتایج حاصل از تیمار با متیل جاسمونات متفاوت بود به طوری که افزایش بیان ژن *OsNPR1* در رقم خزر از شش ساعت پس از تیمار آغاز شد و ۴۸ ساعت پس از تیمار به حداکثر رسید، در رقم هاشمی نیز بیشترین میزان بیان این ژن ۴۸ ساعت پس از تیمار مشاهده شد (شکل ۱A). گزارش‌ها نشان می‌دهد که تیمار گیاه برنج با متیل جاسمونات سبب افزایش بیان ژن (Phenyl alanine ammonia lyase) *PAL* و نیز افزایش فعالیت آنزیم *PAL* می‌شود (Bi et al. 2007). این آنزیم، آنزیم کلیدی مسیر فنیل پروپانویید

است که مسیر اصلی سنتز اسیدسالیسیلیک محسوب می‌شود البته سایر ترکیب‌های فنولی و فلاونوئیدها نیز در این مسیر ساخته می‌شوند (Hayat et al. 2010). بنابراین می‌توان نتیجه گرفت که هورمون متیل جاسمونات با القا بیان ژن *PAL* و افزایش فعالیت آنزیم فنیل آلانین آمونیا لایاز سبب تولید اسیدسالیسیلیک شده و به احتمال زیاد به همین دلیل است که بیان ژن *NPR1* به تدریج و در ۴۸ ساعت پس از تیمار با متیل جاسمونات به حداکثر می‌رسد، به این ترتیب همکاری مثبت و اثر هم‌افزایی متیل جاسمونات با اسیدسالیسیلیک در جهت فعال کردن مسیر مقاومت اکتسابی سیستمیک مشاهده می‌شود. در گزارش‌های قبلی نیز تیمار گیاه برنج با اسیدسالیسیلیک یا بنزوئیدایازول (آنالوگ اسیدسالیسیلیک) سبب افزایش بیان ژن *OsNPR1* و فاکتورهای رونویسی مرتبط با آن شد (Sugano et al. 2010)، در پژوهش دیگری که در گیاه برنج انجام گرفت مشخص شد بیان ژن *OsNPR1* در موتانت‌های *cea62* که مقادیر بالایی اسیدجاسمونیک تولید می‌کنند نسبت به نوع وحشی افزایش چشم‌گیری داشت (Liu et al. 2012).

تجمع اسیدسالیسیلیک سبب تولید گونه‌های اکسیژن فعال و در نتیجه شکستن پل‌های دی‌سولفیدی در فرم الیگومری *NPR1* و تبدیل شدن آن به فرمونومری و فعال شدن *NPR1* در سیتوسول می‌شود (Pieterse and Van Loon, 2004)، *NPR1* در سیتوسول از طریق تداخل در کمپلکس یوبی کوئیتین لیگاز (SKP1, SCFCO11 (CDC53p/CUL1 F-boxCO11، سبب ممانعت از ادامه مسیر انتقال پیام متیل جاسمونات و بیان ژن‌های مرتبط با آن می‌شود، این کمپلکس نقش کلیدی در انتقال پیام توسط متیل جاسمونات دارد (Xu et al. 2002). به این ترتیب اسیدسالیسیلیک از طریق *NPR1* سیتوپلاسمی، اثر آنتاگونیستی خود را بر مسیر انتقال پیام متیل جاسمونات اعمال می‌کند (Spoel et al. 2003). پژوهش‌ها نشان می‌دهد که *OsNPR1* در حالت مونومری و فعال، فقط در سیتوپلاسم اثر ممانعت کننده بر مسیر متیل جاسمونات دارد، این پروتئین پس از فعال شدن جهت القا مسیر انتقال پیام اسیدسالیسیلیک به هسته منتقل شده و به همراه فاکتورهای رونویسی TGA سبب بیان ژن‌های مرتبط با بیماری‌زایی می‌شود، بنابراین در هسته تهدیدی برای مسیر انتقال پیام متیل جاسمونات محسوب نمی‌شود (Yuan et al. 2007).



شکل ۱- اثر اسیدسالیسیلیک (SA) و متیل جاسمونات (MJ) بر الگوی بیان ژن‌های *NPR1* و *PR1* در ارقام برنج (حروف مشترک در سطح احتمال ۵ درصد تفاوت معنی‌داری ندارند).

Figure 1- Effect of salicylic acid (SA) and methyl jasmonate (MJ) on the expression of the genes *NPR1* and *PR1* in rice cultivars (Common letters are not significantly different at probability level of 5%)

متیل جاسمونات در رقم خزر با یکدیگر هم‌نمایی دارند. در مقابل الگوی بیان این ژن در رقم حساس هاشمی در زمان‌های مختلف پس از تیمار با اسیدسالیسیلیک و متیل جاسمونات تفاوت معنی‌داری نشان نداد. این موضوع تأیید کننده این واقعیت است که الگوی بیان این ژن‌ها تا حد زیادی به ماهیت ژنتیک گیاه میزبان وابسته است (شکل ۱B). *PR1* بلافاصله بعد از حمله پاتوژن، افزایش غلظت اسیدسالیسیلیک و فعال شدن *NPR1* و ورود آن به هسته بیان می‌شود و به‌عنوان نشانگری برای مقاومت اکتسابی سیستمیک شناخته شده است (Van Loon and Van Strien, 1999). در گزارشی تیمار گیاه برنج با اسیدسالیسیلیک سبب افزایش بیان *OsPR1* شد، از طرف دیگر کاربرد اسیدجاسمونیک و اسیدآبسیزیک روی گیاهان تیمار شده با اسیدسالیسیلیک به‌طور مؤثری سبب کاهش بیان این ژن شد، اما کاربرد اسیدجاسمونیک و اسیدآبسیزیک هرکدام به تنهایی سبب افزایش بیان ژن *PR1* شد این نتایج اثرهای آنتاگونیستی بین مسیرهای سیگنالینگ اسیدسالیسیلیک و اسیدجاسمونیک را نشان

همانطور که در شکل ۱A مشاهده می‌شود در ساعت‌های اولیه، اسیدسالیسیلیک و متیل جاسمونیت رفتار متضادی (آنتاگونیستی) در الگوی بیان این ژن ایجاد نکردند به‌نحوی که، در ساعاتی که برای یک ترکیب افزایش بیان وجود دارد در همان زمان برای ترکیب دیگر بیان معنی‌داری مشاهده نمی‌شود اما به تدریج با گذشت زمان (ساعت ۴۸) الگوی بیان به سمت هم‌افزایی تمایل یافته است که این موضوع ممکن است به دلیل انتقال این پروتئین به هسته و کاهش فراوانی آن در سیتوپلاسم باشد.

در این پژوهش بررسی بیان ژن *PR1* پس از تیمار با اسیدسالیسیلیک نشان داد که بیان این ژن در رقم مقاوم خزر از زمان شش تا ۴۸ ساعت پس از تیمار به تدریج افزایش یافت به طوری که در زمان ۴۸ ساعت پس از تیمار به حداکثر رسید، نتایج حاصل از تیمار با متیل جاسمونات نیز نشان داد که بیان این ژن در رقم مقاوم خزر روند صعودی را طی کرد ولی در ۲۴ ساعت پس از تیمار به حداکثر رسید و سپس کاهش یافت. بنابراین به نظر می‌رسد مسیر بیان این ژن از طریق اسیدسالیسیلیک و

داد (Agrawal et al, 2001). در پژوهشی دیگر که روی گیاه برنج انجام شد بیان ژن *OsPR1* پس از تیمار گیاه با سالیسیلیک اسید یا متیل جاسمونات افزایش یافت (Mitsuahara et al, 2008). از آنجاکه تیمار با اسیدسالیسیلیک سبب افزایش بیان *NPR1* و فعال شدن آن شده و این پروتئین تنظیمی به همراه فاکتور رونویسی TGA سبب رونویسی ژن *OsPR1* می‌شود، روند صعودی بیان ژن *OsPR1* پس از تیمار با اسیدسالیسیلیک قابل انتظار است. پژوهش‌های انجام شده، افزایش بیان این ژن را پس از تیمار گیاه برنج با متیل جاسمونات نشان می‌دهد (Agrawal et al, 2008 Mitsuahara et al, 2001)، در این پژوهش نیز بیان ژن *PR1* تا ۲۴ ساعت پس از تیمار با متیل جاسمونات افزایش یافت اما پس از آن، از آنجاکه میزان اسیدسالیسیلیک افزایش یافته است (به دلیل اثر هم‌افزایی و همکاری مثبت متیل جاسمونات با اسیدسالیسیلیک که سبب افزایش بیان ژن *PAL* و در نتیجه افزایش سنتز اسیدسالیسیلیک می‌شود)، اثر آنتاگونیستی اسیدسالیسیلیک بر متیل جاسمونات اعمال شده و مانع ادامه مسیر انتقال پیام متیل جاسمونات و بیان ژن‌های این مسیر می‌شود، به احتمال زیاد به همین دلیل است که بیان ژن *OsPR1* در ۴۸ ساعت پس از تیمار با متیل جاسمونات در رقم خزر کاهش می‌یابد.

بررسی اثر آنتاگونیستی و هم‌افزایی اسیدسالیسیلیک و متیل جاسمونات بر الگوی بیان ژن‌های دیفنسین و تیونین: در این پژوهش بررسی بیان ژن دیفنسین *OsPDF1.2* که به خانواده پروتئین‌های مرتبط با بیماری‌زایی شماره ۱۲ (*OsPR12*) منسوب است، نشان داد بیان این ژن در رقم مقاوم خزر شش ساعت پس از تیمار با اسیدسالیسیلیک افزایش یافت و پس از ۱۲ ساعت به حداکثر خود رسید و پس از آن کاهش یافت (شکل ۲۸).

گزارش‌های حاصل از بررسی مسیر انتقال پیام متیل جاسمونات نشان می‌دهد که ژن‌های *COI1* (Coronatine insensitive1) *MPK4* (Mitogen-activated protein kinase4) و *SSI2* (Suppressor of SA insensitivity2) نقش کلیدی در این مسیر دارند، این ژن‌ها در پایین دست متیل جاسمونات قرار گرفته‌اند و پس از افزایش متیل جاسمونات بیان شده و سبب بیان ژن‌های دیفنسین و تیونین می‌شوند. موتاسیون در این ژن‌ها، مانع

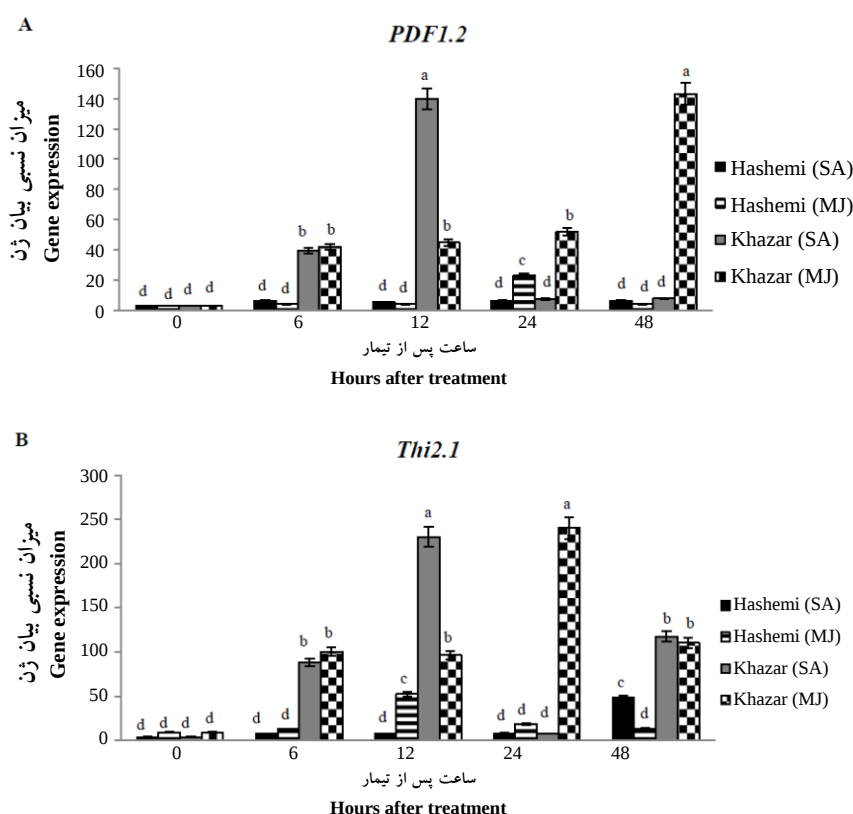
ادامه مسیر انتقال پیام متیل جاسمونات و بیان ژن‌های دفاعی این مسیر و در عوض فعال شدن مسیر انتقال پیام اسیدسالیسیلیک می‌شود، به عبارتی دیگر این ژن‌ها تنظیم کننده منفی برای اسیدسالیسیلیک محسوب شده و مانع مسیر انتقال پیام اسیدسالیسیلیک می‌شوند و از این طریق اثر آنتاگونیستی متیل جاسمونات را روی اسیدسالیسیلیک اعمال می‌کنند (Kunkel and Brook, 2002). رقم خزر به دلیل مقاومت ذاتی دارای مقادیر بالایی از متیل جاسمونات و اسیدسالیسیلیک است، در ابتدا همکاری مثبت این دو سبب افزایش بیان دیفنسین می‌شود ولی به دلیل تیمار اسیدسالیسیلیک میزان بیان *NPR1* افزایش یافته و پس از مدتی (۲۴ ساعت پس از تیمار) فرم فعال آن در سیتوسول تجمع پیدا می‌کند و از طریق اختلال در عمل کمپلکس یوبی کوئیتین لیگاز SCF^{COI1} مانع ادامه مسیر توسط *COI1* و بیان ژن دیفنسین می‌شود و به احتمال زیاد به همین دلیل است که بیان این ژن در ۲۴ و ۴۸ ساعت پس از تیمار کاهش یافته است.

نتایج حاصل از تیمار با متیل جاسمونات روند صعودی بیان ژن دیفنسین *OsPDF1.2* را در رقم مقاوم خزر نشان داد به‌طوری‌که ۴۸ ساعت پس از تیمار به حداکثر رسید در رقم محلی حساس هاشمی تفاوت معنی‌داری در الگوی بیان این ژن پس از تیمار با اسیدسالیسیلیک و متیل جاسمونات مشاهده نشد (شکل ۲۸). از آنجاکه متیل جاسمونات از طریق القا ژن‌های *COI1*، *MPK4* و *SSI2* سبب بیان ژن دیفنسین می‌شود، روند صعودی بیان این ژن پس از تیمار با متیل جاسمونات امری قابل انتظار است. از طرفی به دلیل این‌که گیاه را با متیل جاسمونات تیمار کرده‌ایم، اثر ممانعت کننده ژن‌های فوق بر اسیدسالیسیلیک مانع از شکل‌گیری *NPR1* و اثر آنتاگونیستی اسیدسالیسیلیک بر متیل جاسمونات می‌شود در نتیجه بیان ژن دیفنسین تا ۴۸ ساعت پس از تیمار با متیل جاسمونات به تدریج افزایش می‌یابد. دیفنسین با تحریک پاتوژن‌ها در گیاه تولید شده (Zimmerli et al, 2004) و میزان بیان آن با اسیدسالیسیلیک، متیل جاسمونات و اتیلن تنظیم می‌شود، بیان ژن دیفنسین در گیاه آراییدوپسیس پس از افزایش غلظت داخلی اسیدسالیسیلیک، متیل جاسمونات و اتیلن که در نتیجه حمله پاتوژن‌ها اتفاق می‌افتد، افزایش می‌یابد (Glazebrook et al).

کمپلکس یوبی کوئیتین لیگاز SCF^{COH1} می‌تواند عامل کاهش بیان ژن تیونین ۲۴ ساعت پس از تیمار با اسیدسالیسیلیک در رقم خزر باشد. نتایج حاصل از بررسی بیان ژن تیونین پس از تیمار با متیل جاسمونات نشان دهنده افزایش بیان این ژن در ارقام خزر و هاشمی بود به‌طوری‌که بیان این ژن در رقم خزر ۲۴ و در هاشمی ۱۲ ساعت پس از تیمار به حداکثر رسید (شکل ۲B). به‌دلیل این‌که متیل جاسمونات سبب القا بیان ژن‌های بالادست تیونین و دیفنسین یعنی ژن‌های *MPK4*، *COI1* و *SSI2* می‌شود، افزایش بیان ژن تیونین پس از تیمار با متیل جاسمونات قابل انتظار است. از خصوصیت‌های اصلی تیونین‌ها فعالیت‌های ضد قارچی و ضد باکتریایی آن‌ها است. گزارش‌های زیادی حاکی از این است که گیاهان تراریختی که حاوی ژن تیونین هستند در مقابل حمله پاتوژن‌های قارچی و باکتریایی مقاومت بیشتری از خود نشان می‌دهند.

۲۰۰۳). در گزارشی دیگر نیز میزان بیان ژن دیفنسین *OsPDF1.2* پس از آلودگی با عامل بیماری بلاست *Magnaporthe grisea* در ارقام خزر (مقاوم به بلاست) و طارم (حساس به بلاست) افزایش داشت و افزایش بیان این ژن در رقم خزر بیشتر از رقم طارم بود (Sadati et al. 2012).

بررسی بیان ژن تیونین، منسوب به خانواده پروتئین‌های مرتبط با بیماری‌زایی شماره ۱۳ (*OsPR13*) در هر دو رقم خزر و هاشمی پس از تیمار با اسیدسالیسیلیک افزایش پیدا کرد به‌طوری‌که در رقم مقاوم خزر، بیشترین میزان افزایش بیان ژن در زمان ۱۲ ساعت پس از تیمار و در رقم حساس هاشمی حداکثر میزان بیان این ژن ۴۸ ساعت پس از تیمار بود، البته میزان افزایش بیان در خزر نسبت به هاشمی بیشتر بود (شکل ۲B). همانطور که در بررسی بیان ژن دیفنسین اشاره شد تجمع *NPR1* فعال در سیتوسول پس از تیمار با اسیدسالیسیلیک با اختلال در عمل



شکل ۲- اثر اسیدسالیسیلیک (SA) و متیل جاسمونات (MJ) بر الگوی بیان ژن‌های دیفنسین (*PDF1.2*) و تیونین (*Thi2.1*) در ارقام برنج (حروف مشترک در سطح احتمال ۵ درصد تفاوت معنی‌داری ندارند).

Figure 2- Effect of salicylic acid (SA) and methyl jasmonate (MJ) on the expression of the genes *PDF1.2* and *Thi2.1* (Common letters are not significantly different at probability level of 5%)

نقش کلیدی دارند (Pandey and Somssich, 2009).

در این پژوهش نیز اثرهای آنتاگونیستی و هم‌افزایی بین این دو هورمون با دخالت ژن‌ها و فاکتورهای رونویسی فوق سبب افزایش و کاهش بیان ژن‌های مورد بررسی در ارقام خزر و هاشمی شد. در این بررسی مشخص شد بیان تمام ژن‌ها در رقم مقاوم خزر پس از تیمار با اسیدسالیسیلیک یا متیل‌جاسمونات افزایش یافته و این افزایش در مقایسه با رقم هاشمی از سطح بالاتری برخوردار بود که این نتایج به احتمال زیاد با مقاومت ذاتی رقم خزر به بیماری بلاست در ارتباط است. درحالی‌که در رقم هاشمی الگوی بیان ژن *OsPR1* و دیفنسین پس از تیمار با اسیدسالیسیلیک تفاوت معنی‌داری نشان نداد و افزایش بیان سایر ژن‌های *NPR1* و تیونین نیز از سطوح پایینی برخوردار بود. از طرف دیگر همانطور که مشاهده شد افزایش بیان ژن‌های مورد بررسی پس از تیمار با اسیدسالیسیلیک در زمان‌های زودتری نسبت به تیمار با متیل‌جاسمونات اتفاق افتاد، این امر به احتمال زیاد نقش مؤثرتر اسیدسالیسیلیک را در شکل‌گیری پاسخ‌های دفاعی مرتبط با ژن‌های مورد بررسی، نسبت به متیل‌جاسمونات مشخص می‌کند. به‌طورکلی همانطور که اشاره شد اثرهای آنتاگونیستی و هم‌افزایی اسیدسالیسیلیک و متیل‌جاسمونات منجر به تغییرهای بیان ژن‌های مورد بررسی در زمان‌های مختلف شد. به دلیل دخالت تعداد زیادی از ژن‌های تنظیمی و فاکتورهای رونویسی در تنظیم تداخل مسیرهای انتقال پیام، شناخت دقیق این مسیرها به راحتی امکان‌پذیر نیست و نیازمند بررسی‌های بیشتر است. بنابراین توصیه می‌شود در پژوهش‌های آتی جهت تعیین روابط آنتاگونیستی و هم‌افزایی بین هورمون‌های اسیدسالیسیلیک و متیل‌جاسمونات، بیان سایر ژن‌ها و فاکتورهای رونویسی دخیل، مورد بررسی قرار گیرد.

برای مثال افزایش بیان ژن تیونین جو در توتون تراریخته سبب مقاومت به *Pseudomonas syringae* و در برنج تراریخته سبب مقاومت به برخی از بیماری‌های باکتریایی شد (Iwai et al., 2002). در ضمن در بررسی دیگری که روی گیاه برنج انجام شد مشخص شد که بیان ژن تیونین *Thi2.1* در هر دو رقم خزر (مقاوم به بلاست) و طارم (حساس به بلاست) پس از آلودگی با قارچ بلاست افزایش یافت (Sadati et al., 2012). آلودگی گیاه توسط پاتوژن‌ها همچنین کاربرد خارجی ترکیب‌هایی مانند اسیدسالیسیلیک و متیل‌جاسمونات میزان بیان این ژن‌ها را تغییر می‌دهد که این اختلاف در ژنوتیپ‌های مقاوم و حساس متفاوت است (Sels et al., 2008).

پاسخ‌های دفاعی در گیاهان توسط شبکه وسیعی از مسیرهای انتقال پیام شکل می‌شود که هورمون‌های اسیدسالیسیلیک و متیل‌جاسمونات از عوامل اصلی دخیل در شکل‌گیری این پاسخ‌ها هستند. برهمکنش‌های پیچیده بین هورمون‌های اسیدسالیسیلیک و متیل‌جاسمونات تا حدودی شناخته شده است و شامل اثرهای آنتاگونیستی و هم‌افزایی است (Peng et al., 2012). همانطور که قبل از این اشاره شد از عوامل دخیل در برهمکنش بین مسیرهای انتقال پیام اسیدسالیسیلیک و متیل‌جاسمونات پروتئین تنظیمی *NPR1* است که اثر آنتاگونیستی اسیدسالیسیلیک را بر متیل‌جاسمونات اعمال می‌کند، از طرفی ژن‌های *MPK4*، *COI1* و *SSI2* نیز نقش مؤثری در شکل‌گیری اثر آنتاگونیستی متیل‌جاسمونات علیه اسیدسالیسیلیک دارند. از جمله عوامل دیگری که در تنظیم تداخل مسیرهای انتقال پیام اسیدسالیسیلیک و متیل‌جاسمونات نقش دارند، فاکتورهای رونویسی *WRKY* هستند که در مسیرهای متعدد زیست‌شناسی به خصوص در پاسخ به تنش‌های زیستی و در شکل‌گیری مقاومت علیه پاتوژن‌ها

منابع

- Agrawal G, Rakwal R, Jwa N, Agrawal V. 2001. Signaling molecules and blast pathogen attack activates rice *OsPR1a* and *OsPR1b* genes: A model illustrating components participating during defence/stress response. *Plant Physiology and Biochemistry* 39: 1095-1103.
- Beckers GJM, Spoel SH. 2006. Fine-tuning plant defence signalling: salicylate versus jasmonate. *Plant*

Biology 8: 1-10.

- Bi HH, Zeng RS, Su LM, An M, Lu SM. 2007. Rice allelopathy induced by methyl jasmonate and methyl salicylate. *Journal of Chemistry Ecology* 33: 1089-1103.
- Daw DB, Zang LH, Wang ZZ. 2008. Salicylic acid enhances antifungal resistance to *Magnaporthe grisea* in rice plants. *Australasian Plant Pathology* 37: 637-644.
- De Vos M, Van Oosten VR, Van Poecke RMP, Van

- Pelt JA, Pozo MJ, Mueller MJ, Buchala AJ, Me'traux JP, Van Loon LC, Dicke M. 2005.** Signal signature and transcriptome changes of Arabidopsis during pathogen and insect attack. *Molecular Plant Microbe Interactions* 18: 923-937.
- Dong X. 2004.** *NPR1*, all things considered. *Current Opinion in Plant Biology* 7:547-552.
- Durrant WE, Dong X. 2004.** Systemic acquired resistance. *Annual Review. Phytopathology*. 42: 185-209.
- Glazebrook J, Chen W, Estes B, Chang HS, Nawrath C, Me'traux JP, Zhu T, Katagiri F. 2003.** Topology of the network integrating salicylate and jasmonate signal transduction derived from global expression phenotyping. *Plant Journal* 34: 217-228.
- Glazebrook J. 2005.** Contrasting mechanisms of defense against biotrophic and necrotrophic pathogens. *Annual Review Phytopathology* 43: 205-227.
- Hunt M. 2006.** Real Time PCR Tutorial. University of South Carolina. (Access on line: <http://pathmicro.med.sc.edu/pcr/realtime-home.htm>).
- Hayat Q, Hayat S, Irfan M, Ahmad A. 2010.** Effect of exogenous salicylic acid under changing environment: A review. *Environmental and Experimental Botany* 68: 14-25.
- Iwai TH, Kaku R, Honkura S, Nakamura H, Ochiai T, Sasaki Y. 2002.** Enhanced resistance to seed-transmitted bacterial diseases in transgenic rice plants overproducing an oat cell-wall-bound thionin. *Molecular Plant Microbe Interactions* 15: 515-521.
- Jain M, Nijhawan A, Tiagi AK, Purana PJ. 2006.** Validation of housekeeping genes as internal control for studying gene expression in rice by quantitative real-time PCR. *Biochemical and Biophysical Research Communications* 345: 646-651.
- Kessler A, Baldwin IT. 2002.** Plant responses to insect herbivory: the emerging molecular analysis. *Annual Review. Plant Biology* 53: 299-328.
- Koornneef A, Pieterse C. 2008.** Cross Talk in Defense Signaling. *Plant Physiology* 146: 839-844.
- Kunkel BN, Brooks D. 2002.** Cross talk between signaling pathways in pathogen defense. *Current Opinion in Plant Biology* 5:325-331.
- Liu X, Li F, Tang J, Wang W, Zhang F, Wang G, Chu J, Yan C, Wang T, Chu C, Li C. 2012.** Activation of the Jasmonic Acid Pathway by Depletion of the Hydroperoxide Lyase OsHPL3 Reveals Crosstalk between the HPL and AOS Branches of the Oxylin Pathway in Rice. *Plos one* 7(11): 1-14.
- Mitsuhashi I, Iwai T, Seo S, Yanagawa Y, Hirose S, Ohkawa Y, Ohashi Y. 2008.** Characteristic expression of 12 rice *PR1* family gene in response to pathogen infection, wounding and defense related signal compounds (121/180). *Molecular Genetics and Genomics* 279: 415-427.
- Momeni A, Padasht Dehkaie F, Mousa nejad S, Javan nikkhah M. 2006.** Determination of reducing resistance component in selected cultivar of rice. *Agricultural knowledge* 16(3), 135-144 (In Farsi with English abstract).
- Mur LAJ, Kenton P, Atzorn R, Miersch O, Wasternack C. 2006.** The outcomes of concentration-specific interactions between salicylate and jasmonate signaling include synergy, antagonism, and oxidative stress leading to cell death. *Plant Physiology* 140: 249-262.
- Pandey SP, Somssich IE. 2009.** The role of WRKY transcription factors in plant immunity. *Plant Physiology* 150:1648-1655.
- Pieterse C, Van loon LC. 2004.** *NPR1*: the spider in the web of induced resistance signaling pathways. *Current Opinion in Plant Biology* 7:456-464.
- Qu NA, Gan W, Bi D, Xia S, Li X, Zhang Y. 2010.** Two BTB proteins function redundantly as negative regulators of defense against pathogens in Arabidopsis. *Botany* 88:953-960.
- Sadati Z, Ghanbari MA, Babaiezed V, Rahimian H. 2012.** The antimicrobial peptides thionin and defensin are involved in rice resistance against *Magnaporthe grisea* fungus. In: 12th Genetic congress. Iran, Tehran Shahid Beheshti University (In Farsi with English abstract).
- Sels J, Mathys J, De Coninck B, Cammue B, De Bolle M. 2008.** Plant pathogenesis-related (PR) proteins: A focus on PR peptides. *Plant Physiology and Biochemistry* 46:941-950.
- Silverman P, Seskar M, Kanter D, Schweizer P, Metraux J. P, Raskin I. 1995.** Salicylic acid in rice biosynthesis, conjugation and possible role. *Plant Physiology* 108: 633-639.
- Spoel SH, Koornneef A, Claessens SMC, Korzelius JP, Van Pelt JA, Mueller MJ, Buchala AJ, Me'traux JP, Brown R, Kazan K. 2003.** *NPR1* modulates cross-talk between salicylate- and jasmonate-dependent defense pathways through a novel function in the cytosol. *Plant Cell* 15:760-770.
- Spoel SH, Johnson JS, Dong X. 2007.** Regulation of tradeoffs between plant defenses against pathogens with different lifestyles. *Proceedings of the National Academy of Sciences* 104: 18842-18847.
- Sugano Sh, Chang J, Miyazawa S, Masumoto C, Yazawa K, Hayashi N, Shimono M, Nakayama A, Miyao M, Takatsuji H. 2010.** Role of *OsNPR1* in rice defense program as revealed by genome wide expression analysis. *Plant Molecular Biology* 74:549-562.
- Taheri P, Tarighi S. 2010.** Riboflavin induces resistance in rice against *Rhizoctonia solani* via jasmonate mediated priming of phenylpropanoid pathway. *Journal of Plant Physiology* 167: 201-208.
- Thaler JS, Owen B, Higgins VJ. 2004.** The role of the jasmonate response in plant susceptibility to diverse pathogens with a range of lifestyles. *Plant Physiology* 135: 530-538.

Van Loon LC, Van Strien EA. 1999. The families of pathogenesis-related proteins, their activities, and comparative analysis of PR-1 type proteins. *Physiological Molecular Plant Pathology* 55: 85-97.

Van Loon LC, Geraats BPJ, Linthorst HJM. 2006a. Ethylene as a modulator of disease resistance in plants. *Trends in Plant Science* 11: 184-191.

Van Loon LC, Rep M, Pieterse CMJ. 2006b. Significance of inducible defense-related proteins in infected plants. *Annual Review Phytopathology* 44: 135-162.

Van Wees SCM, De Swart EAM, Van Pelt JA, Van Loon LC, Pieterse CMJ. 2000. Enhancement of induced disease resistance by simultaneous activation of salicylate- and jasmonate-dependent defense pathways in *Arabidopsis thaliana*. *Proceedings of the National Academy of Sciences* 97: 8711-8716.

Von Dahl CC, Baldwin IT. 2007. Deciphering the role of ethylene in plant herbivore interactions. *Plant Growth Regulator*. 26: 201-209.

Xu L, Liu F, Lechner E, Genschik P, Crosby WL, Ma H, Peng W, Huang D, Xie D. 2002. The SCFCO11 ubiquitin-ligase complexes are required for jasmonate response in *Arabidopsis*. *Plant Cell* 14:1919-1935.

Yuan Y, Zhong S, Li Q, Zhu Z, Lou Y, Wang L, Wang J, Wang M, Li Q, Yang D, He Z. 2007. Functional analysis of rice *NPR1*-like genes reveals that *OsNPR1/NH1* is the rice orthologue conferring disease resistance with enhanced herbivore susceptibility. *Plant Biotechnology Journal* 5: 313-324.

Zimmerli L, Stein M, Lipka V, Schulze-Lefert L, Somerville S. 2004. Host and nonhost pathogens elicit different jasmonate/ethylene responses in *Arabidopsis*. *Plant Journal* 40: 633-646.